

**МИНИСТЕРСТВО ОБРАЗОВАНИЯ И НАУКИ РФ  
ТОМСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ УНИВЕРСИТЕТ  
БИОЛОГИЧЕСКИЙ ИНСТИТУТ**

# **СТАРТ В НАУКУ**

**МАТЕРИАЛЫ  
LXVII научной студенческой конференции  
Биологического института**

*Томск, 23–27 апреля 2018 г.*

**Томск  
2018**

## СРАВНИТЕЛЬНАЯ ХАРАКТЕРИСТИКА ГЕНЕТИЧЕСКОЙ И ФЕНЕТИЧЕСКОЙ СТРУКТУРЫ СОБОЛЯ (*Martes zibellina*) ТОМСКОГО ПРИОБЬЯ

О.Е. Кислицына  
kisliczina.olg@yandex.ru

Для филогеографического анализа популяций, наряду с генетической структурой, нередко в качестве маркеров группировок используют фены (Яблоков, 1980). Целью работы являлось сравнение генетической неоднородности соболя Томского Приобья по данным полиморфизма СР мтДНК с фенетической структурой населения этого вида по признаку FFC1 (*foramen in fossa condyloidei inferior*) – наличие или отсутствие отверстий, располагающихся в нижних частях мышцелковых ямок черепа (Павлинин, 1963). Этот краниологический признак чаще проявляется у самок, а также больше выражен в восточной части ареала вида (Монахов, 2003). В Томском Приобье современное население соболя сформировалось в результате как восстановления численности западно-сибирского подвида *M. z. zibellina*, так и реинтродукции 1347 особей восточно-сибирского подвида *M. z. princeps* из Прибайкалья (Павлов и др., 1973).

Генетический анализ (по методике В.В. Рожнова с соавт., 2010) 134 особей соболя из Томской области и Юганского заповедника, а также последовательности ДНК особи из Прибайкалья (Inoue et al., 2010) выявил, что на филогенетическом древе четко обособились 2 кластера, соответствующие потомкам аборигенных и реакклиматизированных особей. Сравнение распределения признака FFC1 в каждой из этих клад показало, что среди «завезенных» особей проявление признака (наличие отверстий) у самок было выше, чем у аборигенных:  $50,0 \pm 1,6$  и  $13,6 \pm 0,6\%$  соответственно. У самцов в обеих кладах преобладали особи без отверстий –  $60,0 \pm 1,9$  и  $66,7 \pm 4,2$ . Аналогичное проявление признака описано и в работе В.Г. Монахова (2003) для «эталонных» особей из Юганского и Баргузинского заповедников. Полученные данные позволяют прояснить современное распространение соболей разных генеалогических линий на исследуемой территории.

Научные руководители – научн. сотр. О.Ю. Тютеньков; канд. биол. наук, доцент И.Г. Коробицын